

図 2-1. WKS82/130-4-1 のサザン解析

宿主 (WKS82) 及び組換え体 (WKS82/130-4-1) の染色体 DNA 20  $\mu$ g を制限酵素 *Nco*I で消化し、パンジー-F3' 5' H 遺伝子 (本遺伝子の *Nco*I 切断部位下流から 3' 末端手前まで) をプローブ

ブとしてサザン解析を行った。

※WKS82/130-9-1 は本申請には含まれない。

(注：本図に記載された情報に係る権利及び内容の責任は申請者にある。)

20ug *Nco*I-digested  
pSPB130 Transgenic  
and non-Transgenic  
Rose DNA

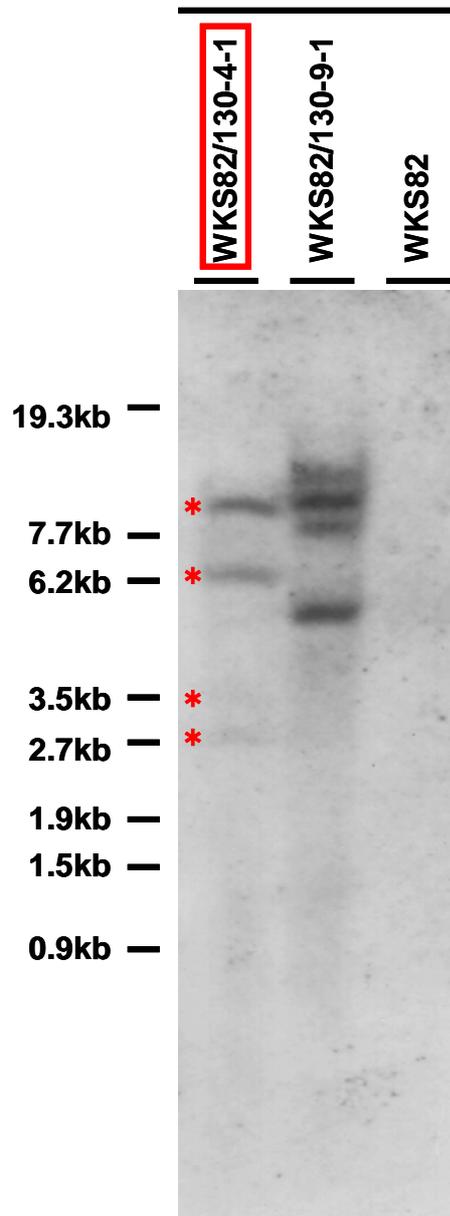


図 2-2. WKS82/130-4-1 のサザン解析

宿主 (WKS82) 及び組換え体 (WKS82/130-4-1) の染色体 DNA 20 μg を制限酵素 *Nco*I で消化

し、トレニア 5AT 遺伝子をプローブとしてサザン解析を行った。

※WKS82/130-9-1 は本申請には含まれない。

(注：本図に記載された情報に係る権利及び内容の責任は申請者にある。)

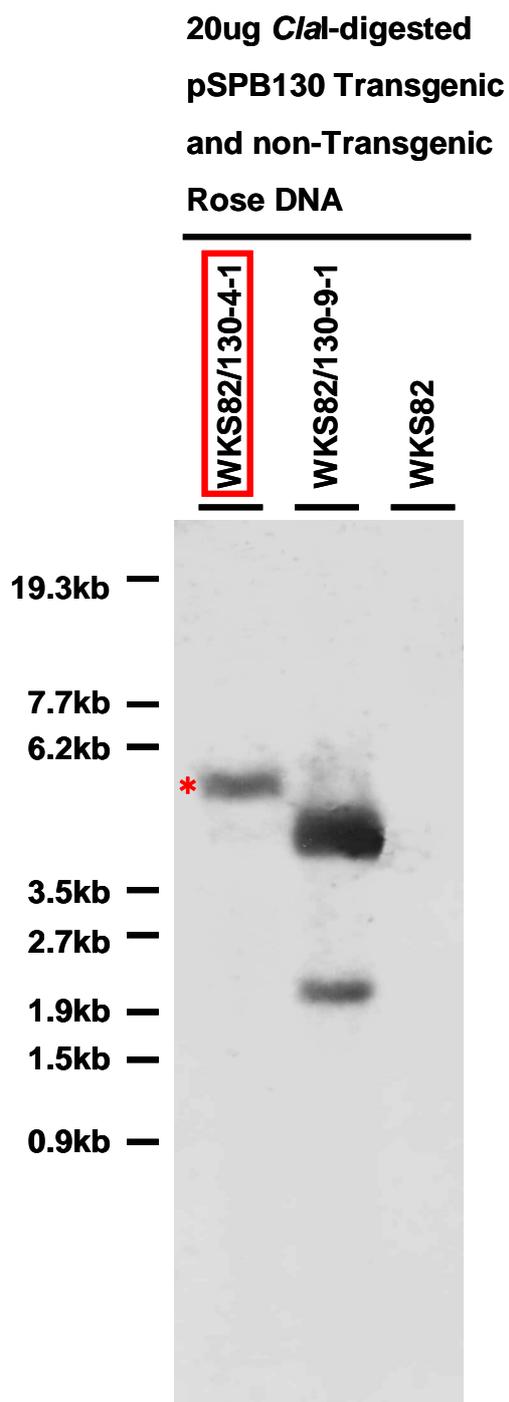


図 2-3. WKS82/130-4-1 のサザン解析

宿主(WKS82) 及び組換え体(WKS82/130-4-1)の染色体 DNA 20  $\mu$ g を制限酵素 *Cla*I で消化し、選択マーカーとして用いたカナマイシン耐性遺伝子、NPT II 遺伝子をプローブとしてサ

ザン解析を行った。

※WKS82/130-9-1 は本申請には含まれない。

(注:本図に記載された情報に係る権利及び内容の責任は申請者にある。)